

ความหลากหลายของแบคทีเรียกลุ่มเฮเทอโรโทรปทั้งหมดในปลาดุกอ์ฟริกััน

(*Clarias gariepinus*) ที่เพาะเลี้ยงในจังหวัดฉะเชิงเทรา

ศุบันตติ นิมรัตน์<sup>1\*</sup>, วรณิศา แสนโคตร<sup>2</sup>, ไตรมาส บุญไทย<sup>3</sup> และวีรพงษ์ วุฒิพันธุ์ชัย<sup>4</sup>

**Bacterial diversity of total heterotrophic bacteria in cultured African walking catfish (*Clarias gariepinus*) in Chachoengsao Province**

Subuntith Nimrat<sup>1</sup>, Wannisa Saenkod<sup>2</sup>, Traimat Boonthai<sup>3</sup>

and Verapong Vuthiphandchai<sup>3</sup>

<sup>1</sup>ภาควิชาจุลชีววิทยาและโครงการวิทยาศาสตร์สิ่งแวดล้อม คณะวิทยาศาสตร์ มหาวิทยาลัยบูรพา

<sup>2</sup>ภาควิชาจุลชีววิทยา คณะวิทยาศาสตร์ มหาวิทยาลัยบูรพา

<sup>3</sup>สาขาวิชาวิทยาศาสตร์ชีวภาพ คณะวิทยาศาสตร์ มหาวิทยาลัยบูรพา

<sup>4</sup>ภาควิชาวาริชศาสตร์ คณะวิทยาศาสตร์ มหาวิทยาลัยบูรพา

\* Corresponding author. E-mail: subunti@buu.ac.th

**บทคัดย่อ**

จากการศึกษาการแพร่กระจายของแบคทีเรียกลุ่มเฮเทอโรโทรปทั้งหมดของปลาดุกอ์ฟริกัันที่เพาะเลี้ยงในจังหวัดฉะเชิงเทราจำนวน 14 ตัวอย่าง ระหว่างเดือนตุลาคมถึงเดือนธันวาคม พ.ศ. 2551 พบว่าจำนวนของแบคทีเรียกลุ่มเฮเทอโรโทรปทั้งหมดจากตัวอย่างผิวหนัง ลำไส้และเนื้อของปลาดุกอ์ฟริกัันมีค่าเท่ากับ  $3.00 \pm 1.50 \times 10^6$  CFU/cm<sup>2</sup>,  $5.82 \pm 2.00 \times 10^6$  CFU/g และ  $10.57 \pm 3.60 \times 10^2$  CFU/g ตามลำดับ ซึ่งแบคทีเรียที่พบได้ในตัวอย่างผิวหนัง ลำไส้และเนื้อของปลาดุกอ์ฟริกััน ได้แก่ *Aeromonas eucrenophila*, *A. veronii*, *Bacillus sphaericus*, *Pseudomonas putida*, *Alicyclobacillus acidocaldarius* และ *Chryseobacterium meningosepticum* โดย *A. veronii* พบมากที่สุดในตัวอย่างผิวหนังและเนื้อของปลาดุกอ์ฟริกััน และ *C. meningosepticum* พบว่ามีมากที่สุดในตัวอย่างลำไส้ของปลาดุกอ์ฟริกััน นอกจากนี้ยังพบว่า *B. laterosporus* และ *B. megaterium* พบได้เฉพาะในตัวอย่างผิวหนังของปลาดุกอ์ฟริกััน *Pseudomonas luteola* พบได้เฉพาะในตัวอย่างเนื้อของปลาดุกอ์ฟริกััน ส่วน *P. fluorescens* พบได้เฉพาะในตัวอย่างลำไส้ของปลาดุกอ์ฟริกััน

คำสำคัญ: ปลาดุกอ์ฟริกััน, แบคทีเรียกลุ่มเฮเทอโรโทรปทั้งหมด

### Abstract

The distribution of total heterotrophic bacteria in 14 samples of cultured African walking catfish (*Clarias gariepinus*) in Chachoengsao province, Thailand, during October to December 2008 was investigated. The average of total heterotrophic bacteria numbers from the skin, intestine and fish meat were  $3.00 \pm 1.50 \times 10^6$  CFU/cm<sup>2</sup>,  $5.82 \pm 2.00 \times 10^6$  CFU/g and  $10.57 \pm 3.60 \times 10^2$  CFU/g, respectively. *Aeromonas eucrenophila*, *A. veronii*, *Bacillus sphaericus*, *Pseudomonas putida*, *Alicyclobacillus acidocaldarius* and *Chryseobacterium meningosepticum* were found from all tested samples. The predominant bacterial species from skin and fish meat was *A. veronii* while *C. meningosepticum* was dominant in the intestine. Moreover, *B. laterosporus* and *B. megaterium* were found from the fish skin. *Pseudomonas luteola* were found only from fish meat and *P. fluorescens* were found only from the intestine.

**Keywords:** *Clarias gariepinus*, Total heterotrophic bacteria

### บทนำ

ปลาน้ำจืดเป็นสัตว์น้ำเศรษฐกิจที่มีความสำคัญและเป็นที่ยอมรับโลกของคนทั่วโลก เนื่องจากมีรสชาติอร่อยและเป็นแหล่งโปรตีนที่สำคัญ หาง่าย ราคาไม่สูงมาก (จำเนียร ทองพันชั่ง, 2542) ปลาคูกอ์ฟริกกัน (*Clarias gariepinus*) เป็นปลาน้ำจืดชนิดหนึ่งที่ยอมรับมาบริโภค รวมทั้งเกษตรกรไทยยังนิยมเพาะเลี้ยงเพื่อนำพ่อพันธุ์ปลาคูกอ์ฟริกกันมาผสมพันธุ์กับแม่พันธุ์ปลาคูกอ์ฟริกกันเพื่อให้ได้ปลาคูกอ์ฟริกกันที่มีชื่อว่าปลาคูกอ์ฟริกกัน ซึ่งปลาน้ำจืดชนิดนี้มีความสำคัญมาก เนื่องจากโตเร็ว รสชาติอร่อยและทนทานต่อโรค ปลาคูกอ์ฟริกกันมีชื่อที่ใช้เรียกในแต่ละท้องถิ่นแตกต่างกันไป เช่น ปลาคูกอ์ฟริกกัน ปลาคูกอ์ฟริกกัน ปลาคูกอ์ฟริกกัน ปลาคูกอ์ฟริกกัน ปลาคูกอ์ฟริกกัน (สันต์ นาคะสุวรรณ, 2548; สุทธิชัย ปทุมต้องทอง, 2548)

แบคทีเรียกลุ่มเฮเทอโรโทรฟ (Heterotrophic bacteria) เป็นแบคทีเรียที่ใช้สารอินทรีย์เป็นแหล่งพลังงานและแหล่งคาร์บอน ซึ่งพบได้ทั่วไปในสิ่งแวดล้อม ได้แก่ ดิน น้ำ อากาศและอาหาร รวมทั้งระบบเพาะเลี้ยงสัตว์น้ำ เป็นต้น แบคทีเรียกลุ่มนี้มีบทบาทสำคัญในการเปลี่ยนแปลงและหมุนเวียนของสารในวัฏจักรธรณีเคมี (Geochemical cycle) ในระบบนิเวศ และยังมีบทบาทสำคัญที่ก่อให้เกิดโรคในสัตว์น้ำ ซึ่งสร้างความเสียหายอย่างมากต่ออุตสาหกรรมการเพาะเลี้ยงสัตว์น้ำ แบคทีเรียกลุ่มเฮเทอโรโทรฟที่ก่อให้เกิดโรคในปลาน้ำจืด ยกตัวอย่างเช่น *Vibrio harveyi*, *Aeromonas hydrophila*, *A. salmonicida*, *Flavobacterium columnare*, *Edwardsiella tarda*,

*Streptococcus iniae* และ *Yersinia ruckeri* เป็นต้น (อุธร ฤทธิติก, 2550; Kawula *et al.*, 1996) นอกจากนี้แบคทีเรียเหล่านี้บางชนิดยังก่อโรคในมนุษย์อีกด้วย เช่น *A. hydrophila* และ *S. iniae* ตามปกติแล้วการเพาะเลี้ยงปลาตู้ก้อฟริกักมักเพาะเลี้ยงแบบหนาแน่นในบ่อดินและมีการให้อาหารในปริมาณมาก ทำให้มีเศษอาหารหลงเหลือเป็นจำนวนมากซึ่งเป็นปัจจัยที่เอื้อต่อการเพิ่มจำนวนของแบคทีเรียกลุ่มเฮเทอโรโทรปและอาจนำไปสู่การแพร่ระบาดของแบคทีเรียก่อโรคในระบบเพาะเลี้ยงปลาตู้ก้อฟริกัก

ดังนั้นการศึกษาคความหลากหลายของแบคทีเรียกลุ่มเฮเทอโรโทรปจึงมีความสำคัญเป็นอย่างยิ่ง ทั้งนี้เพื่อเป็นข้อมูลเบื้องต้นในการจัดการและเฝ้าระวังการแพร่ระบาดของแบคทีเรียก่อโรคในระบบเพาะเลี้ยงปลาตู้ก้อฟริกักต่อไป

## วัสดุ อุปกรณ์และวิธีการ

### 1. การเตรียมตัวอย่างปลาตู้ก้อฟริกัก

สุ่มจับปลาตู้ก้อฟริกักจำนวน 14 ตัวอย่างที่เพาะเลี้ยงในบ่อดินของฟาร์ม 7 แห่งในจังหวัดฉะเชิงเทรา ในช่วงเดือนตุลาคมถึงธันวาคม พ.ศ. 2551 ซึ่งมีอุณหภูมิการเพาะเลี้ยงเท่ากับ 30 – 32 องศาเซลเซียส จากนั้นนำตัวอย่างมาผ่าเพื่อใช้ในการศึกษาต่อไป

### 2. การศึกษาจำนวนและชนิดของแบคทีเรียกลุ่มเฮเทอโรโทรป (ดัดแปลงจากวิธีของ ชนกันต์ จิตมนัส และคณะ, 2548; Al-Harbi and Uddin 2004; Colwell, 1962)

การศึกษาน้ำของแบคทีเรียกลุ่มเฮเทอโรโทรปจากตัวอย่างผิวหนังปลาตู้ก้อฟริกัก โดยนำไม้พันสำลีปราศจากเชื้อจุ่มใน Normal saline 0.85% Swab บริเวณผิวหนังของปลาตู้ก้อฟริกักให้ได้พื้นที่ผิว 30 ตารางเซนติเมตร (cm<sup>2</sup>) แล้วนำไปจุ่มลงใน Normal saline 0.85% หลอดใหม่ ผสมให้เข้ากัน จากนั้นนำสารละลายผสมที่ได้มาเจือจางด้วย Normal saline 0.85% ให้ได้ตามระดับความเจือจาง 10<sup>-1</sup> - 10<sup>-4</sup> การศึกษาน้ำของแบคทีเรียกลุ่มเฮเทอโรโทรปจากลำไส้ปลาตู้ก้อฟริกักโดยชั่งน้ำหนักลำไส้ปลา 1 กรัม ผสมกับ Normal saline 0.85% ปริมาตร 9 มิลลิลิตร ผสมให้เข้ากันด้วยเครื่องตีผสมอาหาร จากนั้นนำสารละลายผสมที่ได้มาเจือจางด้วย Normal saline 0.85% ให้ได้ตามระดับความเจือจาง 10<sup>-1</sup> - 10<sup>-4</sup> ส่วนการศึกษาน้ำของแบคทีเรียกลุ่มเฮเทอโรโทรปทั้งหมดจากเนื้อปลาตู้ก้อฟริกักโดยชั่งน้ำหนักเนื้อปลา 25 กรัม ผสมกับ Normal saline 0.85% ปริมาตร 225 มิลลิลิตร แล้วตีบดให้ละเอียดด้วยเครื่องตีผสมอาหาร จากนั้นนำสารละลายผสมที่ได้มาเจือจางด้วย Normal saline 0.85% ให้ได้ตามระดับความเจือจาง 10<sup>-1</sup> - 10<sup>-4</sup> นำสารละลายจากตัวอย่างที่ระดับความเจือจางต่าง ๆ ปริมาตร 0.1 มิลลิลิตร ใส่บนอาหารเลี้ยงเชื้อ Plate Count Agar โดยแต่ละความเจือจางทำ 3 ซ้ำ จากนั้นทำการสเปรดเพลท บ่มที่อุณหภูมิ 30 องศาเซลเซียส นาน 24 - 48 ชั่วโมง นับจำนวนโคโลนี

แล้วคำนวณเป็น CFU/cm<sup>2</sup> และ CFU/g ตามลำดับ นำโคโลนีของแบคทีเรียบนอาหารเลี้ยงเชื้อที่มีลักษณะแตกต่างกันชนิดละ 10 ไอโซเลท มาทดสอบคุณสมบัติทางชีวเคมีเพื่อจัดจำแนกแบคทีเรียตามวิธีของ Krieg และ Holt (1984), Sneath และคณะ (1986) และ Winn และคณะ (2006) จากนั้นนับจำนวนโคโลนีของแบคทีเรียแต่ละชนิดที่จัดจำแนกได้แล้วแสดงผลเป็นค่าร้อยละของแบคทีเรียทั้งหมดที่ตรวจพบบนอาหารเลี้ยงเชื้อ

### 3. การวิเคราะห์ทางสถิติ

ข้อมูลที่ได้จากการทดลองแสดงค่าเป็นค่าเฉลี่ย  $\pm$  ค่าเบี่ยงเบนมาตรฐาน และนำค่าที่ได้มาวิเคราะห์ความแตกต่างทางสถิติด้วยวิธี Paired samples t-test ที่ระดับนัยสำคัญ 0.05

#### ผลการทดลอง

##### 1. จำนวนแบคทีเรียกลุ่มเฮเทอโรโทรปจากปลาตู้ก้อฟริกกัน

จากการศึกษาจำนวนแบคทีเรียกลุ่มเฮเทอโรโทรปจากตัวอย่างผิวหนัง ลำไส้และเนื้อของปลาตู้ก้อฟริกกัน พบว่าจำนวนแบคทีเรียกลุ่มเฮเทอโรโทรปที่พบบริเวณผิวหนังของปลาตู้ก้อฟริกกันมีค่าเฉลี่ยเท่ากับ  $3.00 \pm 1.50 \times 10^6$  CFU/cm<sup>2</sup> ซึ่งไม่มีความแตกต่างอย่างมีนัยสำคัญทางสถิติ ( $p > 0.05$ ) กับจำนวนแบคทีเรียที่พบบริเวณตัวอย่างลำไส้ปลาตู้ก้อฟริกกัน ซึ่งมีค่าเฉลี่ยเท่ากับ  $5.82 \pm 2.00 \times 10^6$  CFU/g แต่อย่างไรก็ตามจำนวนของแบคทีเรียกลุ่มเฮเทอโรโทรปของตัวอย่างผิวหนังและลำไส้ของปลาตู้ก้อฟริกกันมีค่าสูงกว่าจำนวนแบคทีเรียที่พบบริเวณเนื้อปลาตู้ก้อฟริกกันอย่างแตกต่างกันอย่างมีนัยสำคัญทางสถิติ ( $p < 0.05$ ) ซึ่งมีค่าเฉลี่ยเท่ากับ  $10.57 \pm 3.60 \times 10^2$  CFU/g แสดงดังในตาราง 1

ตาราง 1 จำนวนแบคทีเรียกลุ่มเฮเทอโรโทรปจากผิวหนัง ลำไส้และเนื้อของปลาตู้ก้อฟริกกัน

ตัวอย่าง	จำนวนแบคทีเรียกลุ่มเฮเทอโรโทรป		
	ผิวหนัง ( $\times 10^6$ CFU/cm <sup>2</sup> )	ลำไส้ ( $\times 10^6$ CFU/g)	เนื้อ ( $\times 10^2$ CFU/g)
1	0.85 ± 0.04 <sup>b,3</sup>	0.10 ± 0.01 <sup>b,2</sup>	9.33 ± 1.52 <sup>b,1</sup>
2	0.46 ± 0.05 <sup>b,2</sup>	1.57 ± 0.03 <sup>c,3</sup>	4.67 ± 0.57 <sup>a,1</sup>
3	0.05 ± 0.007 <sup>a,3</sup>	0.01 ± 0.002 <sup>a,2</sup>	6.00 ± 5.00 <sup>ab,1</sup>
4	0.03 ± 0.005 <sup>a,3</sup>	0.01 ± 0.002 <sup>a,2</sup>	5.33 ± 1.52 <sup>ab,1</sup>
5	0.22 ± 0.01 <sup>b,3</sup>	0.02 ± 0.0001 <sup>a,2</sup>	11.00 ± 1.00 <sup>b,1</sup>
6	0.08 ± 0.008 <sup>a,1</sup>	11.13 ± 2.00 <sup>d,2</sup>	5.33 ± 1.52 <sup>ab,1</sup>
7	1.43 ± 0.04 <sup>c,2</sup>	1.41 ± 0.12 <sup>c,2</sup>	11.00 ± 2.00 <sup>b,1</sup>
8	7.60 ± 0.50 <sup>c,3</sup>	1.41 ± 0.03 <sup>c,2</sup>	18.66 ± 1.52 <sup>c,1</sup>
9	6.73 ± 0.55 <sup>c,3</sup>	4.80 ± 0.36 <sup>c,2</sup>	10.00 ± 1.00 <sup>b,1</sup>
10	16.63 ± 1.17 <sup>d,3</sup>	8.37 ± 1.17 <sup>cd,2</sup>	10.00 ± 1.00 <sup>b,1</sup>
11	0.56 ± 0.05 <sup>b,2</sup>	0.05 ± 0.001 <sup>a,2</sup>	15.00 ± 3.61 <sup>bc,1</sup>
12	0.83 ± 0.13 <sup>b,3</sup>	0.15 ± 0.01 <sup>b,2</sup>	15.67 ± 3.21 <sup>bc,1</sup>
13	1.14 ± 0.010 <sup>bc,3</sup>	0.13 ± 0.01 <sup>b,2</sup>	23.00 ± 1.00 <sup>d,1</sup>
14	5.30 ± 0.70 <sup>c,2</sup>	10.57 ± 0.90 <sup>d,2</sup>	3.00 ± 2.00 <sup>a,1</sup>
ค่าเฉลี่ย	3.00 ± 1.50 <sup>2</sup>	5.82 ± 2.00 <sup>2</sup>	10.57 ± 3.60 <sup>1</sup>

หมายเหตุ : ตัวเลขที่ต่างกันในแนวนอนแสดงความแตกต่างกันอย่างมีนัยสำคัญทางสถิติ ( $p < 0.05$ )  
อักษรภาษาอังกฤษที่ต่างกันในแนวตั้งแสดงความแตกต่างกันอย่างมีนัยสำคัญทางสถิติ ( $p < 0.05$ )

## 2. ชนิดของแบคทีเรียกลุ่มเฮเทอโรโทรปที่พบในปลาตู้ก้อฟริกกัน

จากการเก็บตัวอย่างปลาตู้ก้อฟริกกันทั้งหมด 14 ตัวอย่าง พบว่าแบคทีเรียกลุ่มเฮเทอโรโทรปที่พบได้ทั้งบริเวณผิวหนัง ลำไส้และเนื้อของปลาตู้ก้อฟริกกัน คือ *Aeromonas eucrenophila*, *A. veronii*, *Bacillus sphaericus*, *Alicyclobacillus acidocaldarius*, *Pseudomonas putida* และ *Chryseobacterium meningosepticum* โดยพบว่า *A. veronii* พบมากที่สุดในตัวอย่างเป็นเนื้อและผิวหนังของปลาตู้ก้อฟริกกัน ส่วน *C. meningosepticum* พบมากที่สุดในตัวอย่างเป็นลำไส้ของปลาตู้ก้อฟริกกัน นอกจากนี้ยังพบว่า *B. laterosporus* และ *B. megaterium* เป็นแบคทีเรียที่พบได้เฉพาะตัวอย่างผิวหนังของปลาตู้ก้อฟริกกัน ขณะที่ *P. luteola* พบได้เฉพาะในตัวอย่างเป็นเนื้อของปลาตู้ก้อฟริกกัน ส่วน *P. fluorescens* พบได้เฉพาะในตัวอย่างเป็นลำไส้ของปลาตู้ก้อฟริกกัน แสดงดังในตาราง 2

**ตาราง 2** ชนิดของแบคทีเรียกลุ่มเฮเทอโรโทรปจากผิวหนัง ลำไส้และเนื้อของปลาตู้ก้อฟริกัน

แบคทีเรีย	ผิวหนัง (%)	ลำไส้ (%)	เนื้อ (%)
<i>Kytococcus sedentarius</i>	1.00 ± 0.20	4.34 ± 0.83	-
<i>Bacillus coagulans</i>	9.00 ± 2.20	6.00 ± 1.50	-
<i>Bacillus sphaericus</i>	3.50 ± 0.82	8.16 ± 1.67	3.30 ± 0.90
<i>Bacillus laterosporus</i>	5.00 ± 0.80	-	-
<i>Bacillus megaterium</i>	3.00 ± 1.10	-	-
<i>Alicyclobacillus acidocaldarius</i>	2.50 ± 0.93	18.14 ± 3.00	3.00 ± 1.00
<i>Aeromonas eucrenophila</i>	16.00 ± 2.80	16.40 ± 2.74	16.10 ± 2.30
<i>Aeromonas veronii</i>	45.00 ± 3.00	5.48 ± 1.00	28.30 ± 2.80
<i>Pseudomonas putida</i>	1.50 ± 0.38	5.77 ± 1.40	15.00 ± 3.10
<i>Pseudomonas fluorescens</i>	-	5.79 ± 2.00	-
<i>Pseudomonas luteola</i>	-	-	2.00 ± 0.53
<i>Burkholderia cepacia complex</i>	5.20 ± 1.30	3.89 ± 0.90	-
<i>Chryseobacterium meningosepticum</i>	7.00 ± 1.20	19.60 ± 3.81	4.20 ± 1.14
<i>Yersinia ruckeri</i>	1.30 ± 0.47	-	25.50 ± 3.00
<i>Acinetobacter spp./Acinetobacter haemolyticus</i>	-	6.43 ± 1.70	2.60 ± 0.58
รวม	100.00	100.00	100.00

หมายเหตุ: เครื่องหมาย - คือ ไม่พบ

**สรุปและวิจารณ์ผลการทดลอง**

จากการศึกษาความหลากหลายของแบคทีเรียกลุ่มเฮเทอโรโทรปในปลาตู้ก้อฟริกันที่เพาะเลี้ยงในจังหวัดฉะเชิงเทรา พบว่าจำนวนของแบคทีเรียกลุ่มเฮเทอโรโทรปจากตัวอย่างผิวหนัง ลำไส้และเนื้อของปลาตู้ก้อฟริกันมีค่าเฉลี่ยเท่ากับ  $3.00 \pm 1.50 \times 10^6$  CFU/cm<sup>2</sup>,  $5.82 \pm 2.00 \times 10^6$  CFU/g และ  $10.57 \pm 3.60 \times 10^2$  CFU/g ตามลำดับ จำนวนแบคทีเรียที่พบในการศึกษาครั้งนี้มีจำนวนค่อนข้างสูง ทั้งนี้อาจเป็นเพราะประเทศไทยเป็นประเทศในเขตร้อนทำให้อุณหภูมิในการเพาะเลี้ยง สัตว์น้ำค่อนข้างสูง ซึ่งเหมาะแก่การเจริญของแบคทีเรียกลุ่มชอบอุณหภูมิปานกลาง (Mesophilic bacteria) (Rheinheimer, 1985) นอกจากนี้อาจเกิดจากกระบวนการเมแทบอลิซึมที่สูงขึ้นของสัตว์น้ำ และจุลินทรีย์อื่นเนื่องมาจากปริมาณสารอาหารที่อุดมสมบูรณ์และอุณหภูมิที่เหมาะสมของระบบเพาะเลี้ยง (Shewan and Hobbs, 1967; Hossain *et al.*, 1999; Al-Harbi and Uddin, 2005) จำนวน

แบคทีเรียกลุ่มเฮเทอโรโทรปที่พบในการศึกษาในครั้งนี้มีค่าใกล้เคียงกับการรายงานของ Al-Harbi และ Uddin (2004) ที่รายงานว่าจำนวนแบคทีเรียในลำไส้ของปลานิลลูกผสม (*Oreochromis niloticus* x *O. aureus*) ที่เพาะเลี้ยงที่อุณหภูมิประมาณ 28 องศาเซลเซียส มีค่าอยู่ระหว่าง  $6.8 \times 10^6 - 7.5 \times 10^7$  CFU/g แต่อย่างไรก็ตามจำนวนแบคทีเรียที่พบในการศึกษาในครั้งนี้มีปริมาณแตกต่างจากจำนวนที่พบในปลาน้ำจืดชนิดอื่น (Sakata *et al.*, 1984; Sugita *et al.*, 1985; Chowdhury *et al.*, 1989) โดยลำไส้ของปลาไน (*Cyprinus carpio*) ที่เพาะเลี้ยงในประเทศญี่ปุ่นมีจำนวนแบคทีเรียเท่ากับ  $1.7 \times 10^5$  CFU/g (Mahmoud *et al.*, 2004) ในขณะที่จำนวนแบคทีเรียที่พบในลำไส้ของปลานิลที่เพาะเลี้ยงแบบกึ่งหนาแน่นในประเทศบังกลาเทศและบราซิลมีค่าเท่ากับ  $8.81 \pm 0.45 \times 10^5$  และ  $1.5 \times 10^4 - 1.6 \times 10^5$  CFU/g (Molinari *et al.*, 2003; Mandal *et al.*, 2009) รวมทั้งยังมีรายงานว่าจำนวนแบคทีเรียกลุ่มเฮเทอโรโทรปที่พบบริเวณผิวหนังของปลาคูก (*Clarias* sp.) มีค่าอยู่ระหว่าง  $10^4 - 10^5$  CFU/cm<sup>2</sup> (Watanabe, 1971) ซึ่งต่ำกว่าการศึกษาในครั้งนี้ ( $3.00 \pm 1.50 \times 10^6$  CFU/cm<sup>2</sup>) ดังนั้นแสดงให้เห็นว่าจำนวนแบคทีเรียที่ตรวจในปลาน้ำจืดมีความแตกต่างกันอาจเป็นผลมาจากสภาวะแวดล้อมในการเพาะเลี้ยงมีความแตกต่างกัน (Cahill, 1990; Al-Harbi and Uddin, 2004)

จากการศึกษาในครั้งนี้แสดงให้เห็นว่าจำนวนแบคทีเรียที่พบบริเวณลำไส้และผิวหนังของปลาคูกออฟริกันมีค่าสูงกว่าจำนวนของแบคทีเรียที่พบบริเวณเนื้ออย่างชัดเจน ทั้งนี้แบคทีเรียที่มีปริมาณมากในบริเวณลำไส้อาจเป็นเพราะโครงสร้างของลำไส้มีลักษณะเป็นช่องหรือโพรงและมีสารอาหารที่เหมาะสมแก่การเจริญของแบคทีเรีย (Austin and Austin, 1987; Cahill, 1990) ส่วนผิวหนังของปลามีการสัมผัสกับแบคทีเรียจากบ่อเพาะเลี้ยงซึ่งได้รับสารอาหารในปริมาณมาก โดยแบคทีเรียเหล่านี้จะเข้าเกาะที่บริเวณผิวหนังของปลาหรือเมือกของปลา (Horsley, 1973)

แบคทีเรียกลุ่มเด่นที่พบบริเวณผิวหนัง ลำไส้และเนื้อของปลาคูกออฟริกันส่วนใหญ่เป็นแบคทีเรียแกรมลบ (76.00%, 63.36% และ 93.70% ตามลำดับ) ซึ่งแบคทีเรียแกรมลบที่พบในปลาคูกออฟริกัน ได้แก่ *Aeromonas eucrenophila*, *A. veronii*, *Pseudomonas putida*, *P. fluorescens*, *P. luteola*, *Burkholderia cepacia* complex, *Chryseobacterium meningosepticum*, *Yersinia ruckeri* และ *Acinetobacter* spp./*Acinetobacter haemolyticus* โดย Nahiduzzaman และคณะ (2000) พบว่าแบคทีเรียที่พบในปลาคูกลูกผสม (*Clarias* sp.) ที่เพาะเลี้ยงในบ่อดินของประเทศบังกลาเทศประกอบด้วยแบคทีเรียหลากหลายชนิด ได้แก่ *Aeromonas*, *Vibrio*, *Acinetobacter*, *Flavobacterium*, *Pseudomonas*, *Achromobacter*, *Alcaligenes*, *Micrococcus*, *Staphylococcus*, *Bacillus* และแบคทีเรียกลุ่ม Coryneforms นอกจากนี้ Sugita และคณะ (1982) รายงานว่าแบคทีเรียที่พบส่วนใหญ่ในปลานิลเป็นแบคทีเรียในสกุล *Aeromonas*, *Pseudomonas* และแบคทีเรียในวงศ์ Enterobacteriaceae ในขณะที่แบคทีเรียที่พบในปลาไน ได้แก่ แบคทีเรียในสกุล *Pseudomonas*, *Acinetobacter*, *Moraxella*, *Bacillus* และแบคทีเรียในวงศ์ Enterobacteriaceae (Mahmoud *et al.*, 2004) และแบคทีเรียที่พบในปลา

น้ำจืดชนิดอื่น ได้แก่ *Pseudomonas*, *Acinetobacter*, *Moraxella*, *Bacillus*, *Aeromonas*, *Flavobacterium* และแบคทีเรียในวงศ์ Enterobacteriaceae เช่นเดียวกัน (Sugita *et al.*, 1996; Izvekova *et al.*, 2007) แสดงให้เห็นว่าแบคทีเรียที่พบในปลาน้ำจืดส่วนใหญ่เป็นแบคทีเรียแกรมลบและปลาแต่ละชนิดมีความหลากหลายของแบคทีเรียแตกต่างกัน ทั้งนี้อาจเกิดจากอิทธิพลของสิ่งแวดล้อมในการเพาะเลี้ยงและเทคนิคในการวิเคราะห์ทางจุลชีววิทยา (Cahill, 1990; Al-Harbi and Uddin, 2005) รวมทั้งแบคทีเรียแต่ละชนิดที่พบที่บริเวณต่าง ๆ ของปลาถูกอัมฟริกั้นมีการแพร่กระจายที่แตกต่างกัน ซึ่งการศึกษาในครั้งนี้พบว่าแบคทีเรียสกุล *Aeromonas* (*A. eucrenophila* และ *A. veronii*) พบมากบริเวณผิวหนัง (16.00 – 45.00%) ส่วน *Al. acidocaldarius*, *A. eucrenophila* และ *C. meningosepticum* พบมากในลำไส้ (16.40 – 19.60%) ในขณะที่ *A. eucrenophila*, *A. veronii*, *P. putida* และ *Y. ruckeri* พบมากบริเวณเนื้อ (15.00 – 28.30%) จากข้อมูลดังกล่าวเห็นได้ว่า *A. eucrenophila* เป็นแบคทีเรียที่พบได้มากในทั้งสามบริเวณที่เก็บตัวอย่าง ซึ่งการแพร่กระจายของแบคทีเรียที่ไม่เท่ากันในแต่ละบริเวณของปลาถูกอัมฟริกั้นในครั้งนี้ อาจเกิดจากความสามารถในการยึดเกาะที่อวัยวะต่างๆ ของแบคทีเรีย ความไวต่อสารต้านจุลินทรีย์ที่ผลิตในอวัยวะต่างๆ ของแบคทีเรียและปริมาณออกซิเจนของบริเวณต่าง ๆ ของปลาที่มีความแตกต่างกัน เป็นต้น (Cahill, 1990)

แบคทีเรียบางชนิดที่พบในการศึกษานี้จัดเป็นแบคทีเรียก่อโรคในปลาน้ำจืดและมนุษย์ ซึ่ง *A. veronii* เป็นแบคทีเรียชนิดหนึ่งพบได้ทั่วไปในน้ำจืดและเกี่ยวข้องกับสัตว์น้ำ โดยแบคทีเรียชนิดนี้เป็นแบคทีเรียที่ทำให้เกิดโรค Motile Aeromonad Disease (MAD) ที่ทำให้เกิดอาการติดเชื้อในกระแสเลือดที่เรียกว่า Motile Aeromonad Septicemia (MAS) (Noga, 2000) โดยทำให้ปลาติดเชื้อออกบริเวณผิวหนัง ท้องบวม ตาโปนและตายในที่สุด สร้างความเสียหายอย่างมากกับอุตสาหกรรมการเพาะเลี้ยงปลาน้ำจืด นอกจากนั้นแบคทีเรียชนิดนี้ยังเกี่ยวข้องกับการโรคอุจจาระร่วงและการติดเชื้อในกระแสเลือดของผู้ป่วยที่มีภูมิคุ้มกันต่ำ ซึ่งทำให้ผู้ติดเชื้อมีโอกาสการเสียชีวิตได้สูง (Janda and Abbott, 1996; Rahman *et al.*, 2002) *Y. ruckeri* เป็นแบคทีเรียอีกชนิดหนึ่งที่ทำให้เกิดโรค Enteric Red Mouth ในปลาหลายชนิด เช่น ปลาเทราต์สายรุ้ง (*Oncorhynchus mykiss*) และปลาซอด (*Xiphophorus maculatus*) เป็นต้น (Raida and Buchmann, 2007; Ryckaert *et al.*, 2009)

สำหรับ *Burkholderia cepacia* complex และ *Acinetobacter* spp. เป็นแบคทีเรียที่ไม่ก่อโรคแก่สัตว์น้ำทั่วไป แต่แบคทีเรียทั้งสองชนิดนี้ก่อให้เกิดโรคในมนุษย์ โดย *Burkholderia cepacia* complex ก่อให้เกิดโรค Chronic Granulomatous (CGD) ที่ทำให้ผู้ป่วยมีอัตราการเสียชีวิต 1 ในหนึ่งล้านคน นอกจากนี้ยังก่อให้เกิดโรค Cystic fibrosis ในมนุษย์อีกด้วย (Seed and Dennis, 2005; Winn *et al.*, 2006)



การศึกษาในครั้งนี้พบว่าเมื่อเปรียบเทียบคุณภาพทางด้านจุลชีววิทยาของปลาอุกอัฟริกันกับมาตรฐานผลิตภัณฑ์ประมงที่กำหนดโดยองค์การอาหารและการเกษตรแห่งสหประชาชาติ (Food and Agriculture Organization [FAO], 1979) และสมัชชานานาชาติว่าด้วยข้อตกลงด้านจุลินทรีย์ในอาหาร (International Commission on the Microbiological Specification of Foods [ICMSF], 1982) พบว่าปลาอุกอัฟริกันมีปริมาณแบคทีเรียสูงกว่าข้อกำหนด ซึ่งกำหนดไว้ว่าผลิตภัณฑ์ประมงที่ยังไม่ผ่านกระบวนการแปรรูปต้องมีปริมาณแบคทีเรียกลุ่มเฮเทอโรโทรปไม่เกิน  $10^5$  CFU/g ซึ่งชี้ให้เห็นว่าผู้บริโภคมีความเสี่ยงในการได้รับแบคทีเรียก่อโรครูปแบบอื่นในปลาอุกอัฟริกัน รวมทั้งปลาอุกอัฟริกันมีการปนเปื้อนของแบคทีเรียก่อโรครูปแบบอื่นในมนุษย์และในสัตว์น้ำหลากหลายชนิด ดังนั้นการบริโภคปลาชนิดนี้จึงควรปรุงให้สุกด้วยความร้อนเพื่อกำจัดแบคทีเรียก่อโรค รวมทั้งเกษตรกรผู้เพาะเลี้ยงสัตว์น้ำควรตระหนักถึงการควบคุมและการจัดการฟาร์มที่มีประสิทธิภาพ เพื่อป้องกันการแพร่ระบาดของแบคทีเรียก่อโรคที่อาจสร้างความเสียหายให้แก่การเพาะเลี้ยงสัตว์น้ำได้

### กิตติกรรมประกาศ

ขอขอบคุณภาควิชาจุลชีววิทยาและภาควิชาวาริชศาสตร์ คณะวิทยาศาสตร์ ที่ให้ความอนุเคราะห์และอำนวยความสะดวกในการทดลองและอุปกรณ์ต่างๆ

### เอกสารอ้างอิง

- จำเนียร ทองพันชั่ง. (2542). *ปลาอุก*. กรุงเทพฯ: เกษตรศาสตร์วิชาการ.
- ชนกันต์ จิตมนัส, ภาสินันท์ สารมาศ และน้ำเพชร ประกอบศิลป์. (2548). แบคทีเรียที่แยกจากปลานิล ซึ่งเลี้ยงในระบบต่างกันบริเวณหมู่บ้านแม่แก้ว จังหวัดเชียงใหม่. ใน *การประชุมทางวิชาการ ครั้งที่ 6. เชียงใหม่: มหาวิทยาลัยแม่โจ้*, 133-134.
- สันต์ นาตะสุวรรณ. (2548). *คู่มือปลาน้ำจืด*. กรุงเทพฯ: เพ็ท-แพล้น พับลิชชิ่ง.
- สุทธิชัย ปทุมส่องทอง. (2548). *ปลาเศรษฐกิจคู่ชีวิตคนไทย*. กรุงเทพฯ: สถาพรบุ๊ค.
- อุธร ฤทธิลิก. (2550). *การเลี้ยงปลาเพื่อการค้า*. กรุงเทพฯ: โอเดียนสโตร์.
- Al-Harbi, A. H. and Uddin, M. N. (2004). Seasonal variation in the intestinal bacterial flora of hybrid tilapia (*Oreochromis niloticus* × *Oreochromis aureus*) cultured in earthen ponds in Saudi Arabia. *Aquaculture*, 229, 37-44.
- Al-Harbi, A. H. and Uddin, M. N. (2005). Bacterial diversity of tilapia (*Oreochromis niloticus*) cultured in brackish water in Saudi Arabia. *Aquaculture*, 250, 566-572.
- Austin, B. and Austin, D. A. (1987). *Bacterial fish pathogens: Disease in farmed and wild fish*. Chichester: Ellis Horwood.

- Cahill, M. M. (1990). Bacterial flora of fishes: A review. *Microbial Ecology*, 19, 21-41.
- Chowdhury, M. B. R., Muniruzzaman, M. and Uddin, M. N. (1989). Study on the intestinal bacterial flora of tilapia *Oreochromis niloticus*. *Bangladesh Journal of Aquaculture*, 11, 65-70.
- Colwell, R. R. (1962). The bacterial flora of Puget Sound fish. *Journal of Applied Bacteriology*, 25, 147-158.
- Food and Agriculture Organization [FAO]. (1979). *Manuals of food quality control*. FAO Food and Nutrition paper 14/4.
- Horsley, R. W. (1973). The bacterial flora of the Atlantic salmon (*Salmo salar* L.) in relation to its environment. *Journal of Applied Bacteriology*, 36, 377-386.
- Hossain, M. M., Uddin, M. N., Islam, M. N., Chakraborty, S. C. and Kamal, M. (1999). Study on the intestinal bacteria of *Labeo rohita* (Ham.). *Bangladesh Journal of Fisheries Research*, 3, 63-66.
- International Commission on the Microbiological Specification of Foods [ICMSF]. (1982). *Microorganisms in food, sampling for microbiological analysis: Principles and specific applications Vol. 2*. Toronto: University of Toronto Press.
- Izvekova, G. I., Izvekov, E. I. and Plotnikov, A. O. (2007). Symbiotic microflora in fishes from different ecological groups. *Biology Bulletin*, 34, 610-618.
- Janda, J. M. and Abbott, S. L. (1996). Human pathogen. In B. Austin, M. Altwegg, P. J. Gosling and S. W. Joseph (Eds.), *The genus Aeromonas*. New York: John Wiley & Sons, 151-173.
- Kawula, T. H., Lelivelt, M. J. and Orndorff, P. E. (1996). Using a new inbred fish model and cultured fish tissue cell to study *Aeromonas hydrophila* and *Yersinia ruckeri* pathogenesis. *Microbial Pathogenesis*, 20, 119-125.
- Krieg, N. R. and Holt, J. G. (1984). *Bergey's manual of systematic bacteriology, volume 1*. Baltimore: Williams and Wilkins.
- Mahmoud, B. S. M., Yamazaki, K., Miyashita, K., It-Shik, S., Dong Suk, C. and Suzuki, T. (2004). Bacterial microflora of carp (*Cyprinus carpio*) and its shelf-life extension by essential oil compounds. *Food Microbiology*, 21, 657-666.
- Mandal, S. C., Hasan, M., Rahman, M. S., Manik, M. H., Mahmud, Z. H. and Islam, S. (2009). Coliform bacteria in Nile tilapia, *Oreochromis niloticus* of shrimp-Gher, pond and fish market. *World Journal of Fish and Marine Sciences*, 1(3), 160-166.

- Molinari, L. M., de Oliveira Scoaris, D., Pedroso, R. B., Bittencourt, N. D. L. R., Nakamura, C. V., Ueda-Nakamura, T., et al. (2003). Bacterial microflora in the gastrointestinal tract of Nile tilapia, *Oreochromis niloticus*, cultured in semi-intensive system. *Maringa*, 25, 267-271.
- Nahiduzzaman, M. D., Ehshan, M. D. A., Chowdhury, B. R. and Rahman Mridha, M. D. A. (2000). Studies on bacterial flora in farmed catfish, *Clarias hybrid*. *Pakistan Journal of Biological Sciences*, 3(3), 429-432.
- Noga, E. J. (2000). *Fish disease, diagnosis and treatment*. Ames: Iowa State University Press.
- Rahman, M., Colque-Navarro, P., Kuhn, I., Huys, G., Swings, J. and Mollby, R. (2002). Identification and characterization of pathogenic *Aeromonas veronii* biovar *sobria* associated with epizootic ulcerative syndrome in fish in Bangladesh. *Applied and Environmental Microbiology*, 68, 650-655.
- Raida, M. K. and Buchmann, K. (2007). Bath vaccination of rainbow trout (*Oncorhynchus mykiss* Walbaum) against *Yersinia ruckeri*: Effects of temperature on protection and gene expression. *Vaccine*, 26(8), 1050-1062.
- Rhienheimer, G. (1985). *Aquatic microbiology* (3<sup>rd</sup> ed.). New York: John Wiley & Sons.
- Ryckaert, J., Pasmans, F., Tobbacq, E., Duchateau, L., Decostere, A., Haesebrouck, F., et al. (2009). Heat shock proteins protect platyfish (*Xiphophorus maculatus*) from *Yersinia ruckeri* induced mortality. *Fish and Shellfish Immunology*, 28, 228-231.
- Sakata, T., Uno, K. and Kakimoto, D. (1984). Dominant bacteria of the aerobic microflora in tilapia intestine. *Bulletin of the Japanese Society of Scientific Fisheries*, 50, 489-493.
- Seed, K. D. and Dennis, J. J. (2005). Isolation and characterization of bacteriophages of the *Burkholderia cepacia* complex. *FEMS Microbiology Letters*, 251, 273-280.
- Shewan, J. M. and Hobbs, G. (1967). The bacteriology of fish spoilage and preservation. In D. J. D. Hockenhull (Ed.), *Progress in industrial microbiology*. London: Iliffe Books.
- Sneath, P. H. A., Mair, N. S., Shape, M. E. and Volt, J. G. (1986). *Bergey's manual of systematic bacteriology*, volume 2. Baltimore: Williams and Wilkins.
- Sugita, H., Ishida, Y., Deguchi, Y. and Kadota, H. (1982). Aerobic microflora attached to the wall surface in the gastrointestinal of *Tilapia nilotica*. *Bulletin of the College of Agriculture and Veterinary Medicine, Nihon University*, 39, 302-306.

- Sugita, H., Tokuyama, K. and Deguchi, Y. (1985). The intestinal microflora of carp, *Cyprinus carpio*, grass carp, *Ctenopharyngodon idella* and tilapia, *Sarotheradon niloticus*. *Bulletin of the Japanese Society of Scientific Fisheries*, 51, 1325-1329.
- Sugita, H., Shibuya, K., Shimooka, K. and Deguchi, Y. (1996). Antibacterial abilities of intestinal bacteria in freshwater cultured fish. *Aquaculture*, 145, 195-203
- Watanabe, K. (1971). Bacteria from fresh fish at Landind on Lakes Kariba and Tanganyika. *Fisheries Research Bulletin of Zambia*, 5, 187-198.
- Winn, W. C., Allen, S. D., Janda, W. M., Koneman, E. W., Procop, G. W., Schreckenberger, P. C. et al. (2006). *Koneman's color atlas and textbook of diagnostic microbiology*. Philadelphia: Lippincott Williams & Wilkins.